

## Untersuchungsanforderung Molekulare Pathologie

<b>Patientendaten</b> Familienname: ..... Vorname: ..... m/w: ..... Geburtsdatum: ..... SV-Nr.: ..... Vers.: ..... AZ/Fallzahl: .....	<b>Einsenderangaben/Stempel</b> Arzt/Ärztin: ..... Klinik/Abteilung: ..... Tel.Nr.: ..... Unterschrift: .....
<b>Gebührenklasse:</b> <input type="checkbox"/> Allgemein <input type="checkbox"/> Sonderklasse	<b>Behandlung:</b> <input type="checkbox"/> stationär <input type="checkbox"/> ambulant
<b>Datum/Zeit der Entnahme:</b> .....	<b>Pathologie</b> Eingangsdatum/-zeit .....  E-Nr. BARCODE  E-Nr. BARCODE
<b>Untersuchungsmaterial:</b> (Anzahl: .... Röhrchen, .... Blöcke, .... Schnitte, .... Sonstiges) <input type="checkbox"/> <b>Paraffinmaterial:</b> ..... <b>Paraffinblock:</b> Dauer der Fixierung ..... Std. (Nummer des Blocks) <input type="checkbox"/> 10% neutral gepuffertes Formalin (=4% Formaldehydlösung) <input type="checkbox"/> <b>Andere Fixierung:</b> ..... <input type="checkbox"/> <b>EDTA-Blut</b> (1x 6ml): ..... (Leukozytenzahl) <input type="checkbox"/> <b>Plasma (Liquid Biopsy)</b> (Abnahme und Versandkriterien für Liquid Biopsy siehe „Handbuch für Einsender*innen“ auf der Homepage.) <input type="checkbox"/> Erstdiagnose <input type="checkbox"/> Progression <input type="checkbox"/> stabil <input type="checkbox"/> Remission <input type="checkbox"/> <b>Sonstiges:</b> .....	
<b>Klinische Diagnosen/Fragestellungen/gegenwärtige Therapien:</b>	

### Untersuchungen:

#### Gastrointestinale Neoplasien

- Colon NGS Panel (inkl. KRAS, NRAS, BRAF)
- GIST NGS Panel (inkl. KIT, PDGFRA, RAS, BRAF)
- Mikrosatelliteninstabilität (Lynch Syndrom, PD-L1 Therapie)
- MLH1 Promotor-Methylierung

#### Lungentumore

- Lunge NGS Panel (inkl. EGFR, ERBB2, BRAF, MET)
- Lunge Translokationen NGS Panel (ALK, RET, ROS, NTRK1-3)
- EGFR T790M droplet digital PCR

#### Melanome

- Kutanes Melanom NGS Panel (18 Gene)
- Uveales Melanom NGS Panel (18 Gene) + CNV

#### Gehirntumore

- Neuro NGS Panel (inkl. IDH1/IDH2)
- CNV Kopienzahlveränderung (inkl. 1p19q)
- MGMT Promotor-Methylierung
- BRAF Translokationen NGS

#### Knochen-, Weichteiltumore

- Knochen NGS Panel (inkl. GNAS, IDH1/2)
- Weichteil NGS Panel (inkl. KIT, GNAS, GNAQ, CTNNB1, BRAF)
- Sarkom Translokationen NGS Panel (inkl. EWSR1, NTRK1-3)

#### Liquid Biopsies\*

- Lunge MolBar NGS Panel (inkl. EGFR T790M, ALK)
- Mamma MolBar NGS Panel (inkl. PIK3CA, ERBB2 Amplifikation)
- Melanom MolBar HotSpot NGS Panel (v. a. Liquid Biopsy)
- Pan-Cancer Cell-Free Assay (40 Hotspotgene, 12 Gene für Genfusionen)

\* Hochsensitive Molecular Barcode NGS Panels zur Analyse von HotSpot Mutationen besonders auch für Liquid Biopsy.

\*\* Bei Untersuchungen des Typs 2 und Typs 3 (Keimbahnanalyse) ist eine Einverständniserklärung erforderlich.

#### Gynäkologische Tumore, Mamma-, und Prostatatumore

- Endometrium NGS Panel (inkl. POLD1, POLE, TP53)
- Mamma MolBar NGS Panel (inkl. ESR1, PIK3CA, ERBB2)

#### HRD:

- BRCA1/2 NGS Panel \*\* + Genomischer Instabilitäts Score (Standardauswahl Ovarialkarzinom)
- BRCA1/2 NGS Panel \*\* (Einzelanalyse)
- Genomischer Instabilitäts Score (GIS) (Einzelanalyse)
- HRR NGS Panel (26 HRR Gene + KRAS) \*\*

#### Weitere Analysen

- TP53 NGS Panel (full coding)
- NGS Cancer Hotspot Panel (50 onkol. rel. Gene, inkl. IDH1/2)
- Kardiogenetik (TTR, LMNA, GLA) + **Einverständniserklärung\*\***
- Leberadenome NGS Panel
- Oncomine Comprehensive Assay Plus DNA (500 Gene, inkl. TMB)
- Oncomine Comprehensive Assay Plus RNA (Fusionen in 49 Genen)
- Translokationen NGS Panel (ALK, FGFR2, RET, ROS, NTRK1-3)
- CNV Kopienzahlveränderung
- Methylierungsbasierte Tumorklassifikation (EPIC Array)

#### Stoffwechselerkrankungen (Typ 3 gemäß § 65 GTG)

- Hämochromatose (C282Y, H63D) + **Einverständniserklärung\*\***
- Mb. Wilson (ATP7B H1069Q) + **Einverständniserklärung\*\***

#### Chimärismusanalyse

- Gewebeidentifikation

Der Patient / die Patientin wurde darüber informiert, dass der Befund an den Einsender bzw. die einsendende Abteilung retourniert wird und erklärt sich damit einverstanden